

DEMANDE DE BIOMARQUEURS ET DE TESTS MOLECULAIRES -TUMEURS SOLIDES -

JOINDRE IMPERATIVEMENT A CETTE DEMANDE LE COMPTE RENDU ANAPATH ET LE MATERIEL, A ENVOYER A L'ADRESSE SUIVANTE :

Service d'Anatomie Pathologique / Plateforme de Génétique Moléculaire des Cancers
Bâtiment CBRS - 2 Av M. Luther King -87042 LIMOGES cedex
(Tél : 05.55.05.61.71 - Fax : 05.55.05.66.99)

Cette prescription vaut engagement de l'établissement de soin prescripteur selon l'instruction n° DGOS/PF4/DSS/1A/2018/101 du 16 avril 2018

https://www.chu-limoges.fr/catalogue_examens_labos/

CADRE RESERVE A LA PLATEFORME

Date de réception :

Conformité : OUI NON Motif :

Numéro
d'enregistrement

IDENTIFICATION DU PATIENT

NOM : _____ PRENOM : _____
NOM DE NAISSANCE : _____
DATE DE NAISSANCE : |_|_|_|_|_|_|_|_|_|_|
SEXE : F M
COORDONNEES : _____
NUMERO IEP : _____

IDENTIFICATION DU PRESCRIPTEUR

NOM : _____ PRENOM : _____
ETABLISSEMENT/SERVICE : _____
COORDONNEES : _____
TELEPHONE/FAX : _____
EMAIL : _____
RPPS : _____

INFORMATIONS CONCERNANT LA DEMANDE DE TEST

DATE DE LA DEMANDE DE TEST : |_|_|_|_|_|_|_|_|_|_| **DEMANDE URGENTE**

MOTIF DE LA DEMANDE : Diagnostique Théranostique : Primo-détermination Analyse 1^{ère} intention non contributive (cf Fiche-support-prescription-biomol)
 Mécanisme de résistance (précisez impérativement) : _____
 Inclusion dans un essai clinique (précisez) : _____
 Impasse thérapeutique (Test FMI) : Consentement signé et joint à cette demande
 Autre : _____

TISSUS SOLIDES

INFORMATIONS DU PATHOLOGISTE et DU PRELEVEMENT

Seules les demandes accompagnées AU MINIMUM du prélèvement, une lame HES de sortie représentative du prélèvement et comportant un pourcentage de cellules tumorales dument renseigné seront prises en compte

<p>NOM : _____ PRENOM : _____ COORDONNEES : _____ TELEPHONE/FAX : _____ EMAIL : _____ RPPS : _____</p>	<p>DATE PRELEVEMENT : _ _ _ _ _ _ _ _ _ _ DATE TRANSMISSION : _ _ _ _ _ _ _ _ _ _ </p> <p>NATURE DU PRELEVEMENT : Organe/tissu : <input type="checkbox"/> Tumeur primitive <input type="checkbox"/> Métastase Diagnostic : STADE TNM : _____</p> <p>PATIENT METASTATIQUE ? : <input type="checkbox"/> OUI <input type="checkbox"/> NON <input type="checkbox"/> INCONNU</p> <p>MATERIEL TRANSMIS : <input type="checkbox"/> Pièce opératoire <input type="checkbox"/> Biopsie <input type="checkbox"/> Lames <input type="checkbox"/> Coupes <input type="checkbox"/> Cytoponction <input type="checkbox"/> ADN</p> <p>BLOC N° : _____ % Cellules tumorales lame entière : _____ % Cellules tumorales zone sélectionnée : _____</p> <p>N° AUTRES BLOCS (préciser si TISSU NON TUMORAL) : _____</p> <p>NATURE DU FIXATEUR : <input type="checkbox"/> FORMOL <input type="checkbox"/> AUTRE : _____ DELAÏ DE FIXATION : <input type="checkbox"/> < 30 min <input type="checkbox"/> >30 min à 1h <input type="checkbox"/> > 1h TEMPS DE FIXATION : <input type="checkbox"/> ≤ 6h <input type="checkbox"/> 6h-20h <input type="checkbox"/> 20h-48h <input type="checkbox"/> > 48h</p>
--	--

BIOPSIES LIQUIDES

INFORMATION DU PRELEVEUR et DU PRELEVEMENT

<p>NOM/PRENOM : _____ COORDONNEES : _____ TELEPHONE/EMAIL : _____ RPPS : _____</p>	<p>DATE/HEURE PRELEVEMENT : _ _ _ _ _ _ _ _ _ _ ; _____ DATE TRANSMISSION : _ _ _ _ _ _ _ _ _ _ TYPE DE TUBE : _____</p>
--	--

CANCER BRONCHOPULMONAIRE (Tissus)	CANCER COLORECTAL
<input type="checkbox"/> Panel NGS ADN (dont EGFR-KRAS-BRAF-ERBB2-PIK3CA-STK1-KEAP1-TP53...) <input type="checkbox"/> Panel Fusion ARN (dont ALK, ROS-1, NTRK1/2/3, RET, METex14...) <input type="checkbox"/> ALK (IHC/NGS ARN/Biocartis) <input type="checkbox"/> ROS-1 (IHC/NGS ARN/Biocartis)	<input type="checkbox"/> KRAS – NRAS –BRAF <input type="checkbox"/> NGS ADN (dont KRAS-NRAS-BRAF-ERBB2-PIK3CA-MET...) <input type="checkbox"/> NGS ARN Fusion (dont NTRK1/2/3...)
CANCER BRONCHOPULMONAIRE (ADNtc)	CANCER OESO-GASTRIQUE / GIST
<input type="checkbox"/> EGFR <input type="checkbox"/> Panel NGS ADNtc (dont EGFR-KRAS-ALK)	<input type="checkbox"/> NGS ADN (dont KIT-PDGFR...) <input type="checkbox"/> NGS ARN Fusion (dont NTRK1/2/3...)
CHOLANGIOMES	CANCER DU PANCREAS
<input type="checkbox"/> Panel NGS ADN (dont IDH1...) <input type="checkbox"/> Panel Fusion ARN (dont FGFR2-NTRK1/2/3...)	<input type="checkbox"/> Panel NGS ADN (dont BRCA1-BRCA2-KRAS...) <input type="checkbox"/> NGS ARN Fusion (dont NTRK1/2/3...)
CANCERS DES VOIES URINAIRES	CANCERS DE LA THYROIDE
<input type="checkbox"/> Panel NGS ADN (dont FGFR1-FGFR2-FGFR3...) <input type="checkbox"/> NGS ARN Fusion (dont FGFR-NTRK1/2/3...)	<input type="checkbox"/> Panel NGS ADN (dont BRAF, RET, KRAS, PTEN...) <input type="checkbox"/> NGS ARN Fusion (dont RET-ALK-FGFR-NTRK1/2/3...)
CANCER DE L'ENDOMETRE	CANCER DE L'OVAIRE
<input type="checkbox"/> Panel NGS ADN (dont POLE-PTEN-KRAS-PIK3CA...)	<input type="checkbox"/> Panel NGS-statut HRD (dont BRCA1-BRCA2 + gènes HRR (RAD51, ATM)...)
CANCER DU SEIN	MELANOME
<input type="checkbox"/> Panel NGS ADN (dont BRCA1-BRCA2-PALB2-PIK3CA-PTEN-ESR1...) <input type="checkbox"/> NGS ARN Fusion (dont NTRK1/2/3...)	<input type="checkbox"/> NGS ADN (dont BRAF-NRAS-KIT-PDGFR...) <input type="checkbox"/> Panel Fusion ARN (dont FGFR1...)
GLIOMES	MENINGIOMES
<input type="checkbox"/> Panel NGS ADN (dont IDH1-IDH2-PTEN-pTERT, CDKN2A-TP53, ATRX...) <input type="checkbox"/> CGH (anomalies chromosomiques 1p19q, 10p10q, 7p, EGFR...) <input type="checkbox"/> Méthylation MGMT	<input type="checkbox"/> Panel NGS ADN (dont TRAF7-KLF4-CDKN2A-NF2-SMARCE1/B1...) <input type="checkbox"/> CGH (anomalies chromosomiques dont chromosome 1p, 22...)
CANCERS DE LA PROSTATE	LYMPHOMES
<input type="checkbox"/> Panel NGS ADN (dont BRCA1-BRCA2 + autres gènes HRR (RAD51, ATM)...)	<input type="checkbox"/> Test diagnostique LymphoSign (analyse de 48 gènes)
STATUT MMR SOMATIQUE (COLON, ENDOMETRE, OESOGASTRIQUE, CHOLANGIOMES, CORTICOSURRENALOME, AUTRES)	
<input type="checkbox"/> Colon <input type="checkbox"/> Endomètre <input type="checkbox"/> gastrique <input type="checkbox"/> Pancréas <input type="checkbox"/> Autre (précisez) : Méthode souhaitée pour STATUT MMR : <input type="checkbox"/> IHC <input type="checkbox"/> MSI (biologie moléculaire) <input type="checkbox"/> Méthylation MLH1	INDICATION DE LA RECHERCHE <input type="checkbox"/> Dépistage / Suspicion Syndrome de Lynch Si suspicion, préciser ATCDs familiaux, âge jeune : <input type="checkbox"/> Adaptation thérapeutique / pronostique <input type="checkbox"/> Immunothérapie

STATUT HER2	STATUT PD-L1
<input type="checkbox"/> Sein <input type="checkbox"/> Oeso-gastrique <input type="checkbox"/> Colon <input type="checkbox"/> AUTRE : <input type="checkbox"/> HER2 (IHC) <input type="checkbox"/> HER2 (DDISH)	PRECISER L'ORGANE : <input type="checkbox"/> PDL1 (IHC)

AUTRES BIOMARQUEURS ET/OU TESTS MOLECULAIRES	
PRECISER L'ORGANE :	PRECISER LE TYPE HISTOLOGIQUE :
PRECISER L'ANOMALIE(S) A RECHERCHER :	
ANALYSES	FISH (marqueur à préciser) :
<input type="checkbox"/> CGH <input type="checkbox"/> IHC (marqueur à préciser) : <input type="checkbox"/> AUTRE (Préciser) :	
ANALYSES NGS	CIBLES ANALYSEES
<input type="checkbox"/> Panel NGS ADN (tum. solides) <input type="checkbox"/> Panel NGS ADN tumoral circulant <input type="checkbox"/> Panel Fusion ARN <input type="checkbox"/> Panel HRR NGS + HRD (Déficience recombinaison homologue) <input type="checkbox"/> Panel NGS ADN étendu + MSI <input type="checkbox"/> Panel NGS LARGE (FMI, sous-traité)	AKT1, ALK, BRAF, CTNNB1, EGFR, ERBB2, ERBB4, FGFR1, FGFR2, FGFR3, GNAS, IDH1, IDH2, KEAP1, KRAS, KIT, MET, NRAS, PIK3CA, PDGFRA, POLE, STK11, TP53 ALK-BRAF-CDK12-CLIP4-EGFR-ERBB2-GSDMB-IZF3-LBH-KRAS-KIT-MAP2K1-MET-NRAS-PIK3CA-POLE-PTEN-CTNNB1-STAR3-STK11 Transcrits de fusion ALK, BRAF, FGFR1, FGFR2, FGFR3, NRG1, NTRK1, NTRK2, NTRK3, RET, ROS-1 / Recherche de transcript mutant EGFRvIII / Recherche de transcript alternatif MET exon 14 ARID1A, ATM, BARD1, BRAF, BRCA1, BRCA2, BRIP1, CCNE1, CHEK1, CHEK2, CDK12, EPCAM, ESR1, FANCA, FANCL, FANCD2, MLH1, MSH2, MSH6, MRE11, NBN, PALB2, PIK3CA, PMS2, POLD1, POLE, PPP2R2A, PTEN, RAD51B, RAD51C, RAD51D, RAD54L, TP53 + technologie HRD Shallow ARID1A, AKT1, ALK, ATM, ATRX, BARD1, BRAF, BRCA1, BRCA2, BRIP1, CCNE1, CDKN2A, CDKN2B, CHEK1, CHEK2, CDK12, CTNNB1, EGFR, ERBB2, ERBB4, EPCAM, ESR1, FANCA, FANCL, FANCD2, FGFR1, FGFR2, FGFR3, GNAS, Histone H3-3A, Histone H3-C2, IDH1, IDH2, KEAP1, KIT, KLF4, KRAS, MET, MLH1, MSH2, MSH6, MRE11, NBN, NF2, NRAS, PALB2, PDGFRA, PIK3CA, PMS2, POLD1, POLE, POLR2A, PPP2R2A, PTEN, PTPN11, RAD51B, RAD51C, RAD51D, RAD54L, RET, SMARCB1, SMARCE1, SMO, STK11, TERT, TP53, TRAF7 + MSI 324 gènes + Statut microsatellitaire et TMB (charge mutationnelle tumorale) ; infos sur https://www.foundationmedicine.fr/

REMARQUES/PRECISIONS :